

**А. В. Калинин, С. С. Кудряшов** (Москва, МГТУ им. Н.Э. Баумана). **Марковские аналоги основных детерминированных моделей эпидемий.**

УДК 519.21

DOI [https://doi.org/10.52513/08698325.2022.29\\_1\\_1](https://doi.org/10.52513/08698325.2022.29_1_1)

*Резюме:* Приведены кинетические схемы взаимодействий, соответствующие детерминированным моделям эпидемий SIR, SIS, SIRS, SEIS, SEIR, MSEIRS.

*Ключевые слова:* Модели эпидемий, системы обыкновенных дифференциальных уравнений, марковские процессы.

В 1927 г. В. О. Кермак и А. Г. Мак-Кендрик предложили детерминированную модель развития эпидемии, в популяции с постоянной численностью особей,

$$\dot{x}_1 = -x_1x_2, \quad \dot{x}_2 = x_1x_2 - \lambda x_2, \quad x_1(0) = x_1^0, \quad x_2(0) = x_2^0, \quad (1)$$

где  $x_1(t)$  — количество «восприимчивых к заболеванию»,  $x_2(t)$  — количество «инфицированных» в момент времени  $t$  ( $\lambda > 0$ ). Получившую название эпидемии SIR.

В 40-е гг. М. С. Барлетт и другие авторы определили стохастический аналог эпидемии SIR [2]. Рассматривают однородный во времени марковский процесс  $\xi(t) = (\xi_1(t), \xi_2(t))$ ,  $t \in [0, \infty)$ , на множестве состояний  $N^2 = \{\alpha = (\alpha_1, \alpha_2), \alpha_1, \alpha_2 = 0, 1, \dots\}$ , переходные вероятности  $P_{(\beta_1, \beta_2)}^{(\alpha_1, \alpha_2)}(t) = \mathbf{P}\{\xi(t) = (\beta_1, \beta_2) \mid \xi(0) = (\alpha_1, \alpha_2)\}$  которого при  $t \rightarrow 0+$  представимы в виде  $P_{(\alpha_1-1, \alpha_2+1)}^{(\alpha_1, \alpha_2)}(t) = \alpha_1\alpha_2 t + o(t)$ ,  $P_{(\alpha_1, \alpha_2-1)}^{(\alpha_1, \alpha_2)}(t) = \lambda\alpha_2 t + o(t)$ ,  $P_{(\alpha_1, \alpha_2)}^{(\alpha_1, \alpha_2)}(t) = 1 - (\alpha_1\alpha_2 + \lambda\alpha_2)t + o(t)$ . Производящая функция переходных вероятностей  $F_\alpha(t; s) = \sum_{\beta_1, \beta_2=0}^{\infty} P_{(\beta_1, \beta_2)}^{(\alpha_1, \alpha_2)}(t) s_1^{\beta_1} s_2^{\beta_2}$ ,  $|s_1| \leq 1$ ,  $|s_2| \leq 1$ , удовлетворяет второму (прямому) уравнению Колмогорова [2]

$$\frac{\partial F_\alpha(t; s)}{\partial t} = (s_2^2 - s_1 s_2) \frac{\partial^2 F_\alpha(t; s)}{\partial s_1 \partial s_2} + \lambda(1 - s_2) \frac{\partial F_\alpha(t; s)}{\partial s_2}, \quad F_\alpha(0; s_1, s_2) = s_1^{\alpha_1} s_2^{\alpha_2}. \quad (2)$$

Из уравнения (2) «предельным термодинамическим переходом» выводится нелинейная система обыкновенных дифференциальных уравнений (1). Уравнению (2) соответствует кинетическая схема взаимодействий  $T_1 + T_2 \rightarrow 2T_2$ ,  $T_2 \rightarrow 0$  [4].

В теории эпидемий используются обозначения [1]:

S — susceptible, восприимчивые к заболеванию;

I — infectious, инфицированные, могут передавать заболевание;

R — recovered (or immune), выздоровевшие, с иммунитетом;

E — for exposed (or significant latency period), инфицированные, находящиеся в латентном периоде, то есть не могут передавать заболевание;

M — passive immunity, младенцы с пассивным иммунитетом; и другие буквы.

На этой основе в литературе ([1] и др.) классифицируются модели эпидемий SIR, SIS, SIRS, SEIS, SEIR, MSEIRS и другие, в некоторых случаях выписываются системы обыкновенных дифференциальных уравнений. Анализ этих нелинейных систем на основе «предельного термодинамического перехода» приводит к следующим схемам взаимодействий [3]:

марковский процесс эпидемии SIR  $T_1 + T_2 \rightarrow 2T_2, T_2 \rightarrow 0$ ;  
 марковский процесс эпидемии SIS  $T_1 + T_2 \rightarrow 2T_2, T_2 \rightarrow T_1$ ;  
 марковский процесс эпидемии SIRS  $T_1 + T_2 \rightarrow 2T_2, T_2 \rightarrow T_1, T_3, T_3 \rightarrow T_1$ ;  
 марковский процесс эпидемии SEIS  $T_1 + T_2 \rightarrow T_2 + T_4, T_2 \rightarrow T_1, T_4 \rightarrow T_2, 0 \rightarrow T_1, T_1 \rightarrow 0, T_2 \rightarrow 0, T_4 \rightarrow 0$ ;  
 марковский процесс эпидемии SEIR  $T_1 + T_2 \rightarrow T_2 + T_4, T_4 \rightarrow T_2, T_2 \rightarrow T_3, 0 \rightarrow T_1, T_1 \rightarrow 0, T_2 \rightarrow 0, T_3 \rightarrow 0, T_4 \rightarrow 0$ ;  
 марковский процесс эпидемии MSEIRS  $T_1 + T_5 \rightarrow 2T_1, T_1 + T_2 \rightarrow T_2 + T_4, T_4 \rightarrow T_2, T_2 \rightarrow T_3, T_3 \rightarrow T_1, 0 \rightarrow T_5, T_1 \rightarrow 0, T_2 \rightarrow 0, T_3 \rightarrow 0, T_4 \rightarrow 0, T_5 \rightarrow 0$ .

Аналогично находятся кинетические схемы марковских процессов эпидемий MSIR, MSEIR и некоторых других. По схеме взаимодействий выписывается второе уравнение Колмогорова в производящих функциях, подобное линейному уравнению в частных производных (2) [4].

Отметим, что принятые в математической эпидемиологии последовательности латинских букв не определяют однозначно детерминированную модель эпидемии — систему ОДУ. Для определения кинетической схемы (которая однозначно определяет марковский процесс), необходимо наличие системы ОДУ. Выше использованы данные в обзоре [1] нелинейные системы уравнений.

#### СПИСОК ЛИТЕРАТУРЫ

1. [https://en.wikipedia.org/wiki/Mathematical\\_modelling\\_of\\_infectious\\_disease](https://en.wikipedia.org/wiki/Mathematical_modelling_of_infectious_disease)  
[https://en.wikipedia.org/wiki/Compartmental\\_models\\_in\\_epidemiology](https://en.wikipedia.org/wiki/Compartmental_models_in_epidemiology)
2. *Севастьянов Б. А.* Эпидемии процесс. — В кн.: Математическая энциклопедия. Т. 5. М.: Советская энциклопедия, 1985. Кол. 1008. // *Sevast'yanov B. A.* Epidemic process. Encyclopaedia of Mathematics. Vol. 3. Dordrecht, Kluwer Academic Publishers, 1989.
3. *Кудряшов С. С.* Стохастические аналоги основных детерминированных моделей эпидемий. Дипломная работа. М.: МГТУ им. Н.Э. Баумана, 2014, 144 с. // *Kudryashov S. S.* Stochastic analogues of the main deterministic models of epidemics. Graduation thesis. Moscow, Bauman Moscow State Technical University, 2014, 144 p. (In Russian.)
4. *Калинкин А. В.* Марковские ветвящиеся процессы с взаимодействием. — Успехи математических наук, 2002, т. 57, в. 2, с. 3–84. // *Kalinkin A. V.* Markov branching processes with interaction. — Russian Math. Surveys, 2002, v. 57, № 2, p. 241–304.

UDC 519.21

DOI <https://doi.org/10.52513/08698325-2022-29-1-1>

***Kalinkin A. V., Kudryashov S. S.*** (Moscow, Bauman Moscow State Technical University). **Markov analogues of the main deterministic models of epidemics.**

*Abstract:* The kinetic schemes of interactions corresponding to the deterministic models of epidemics SIR, SIS, SIRS, SEIS, SEIR, MSEIRS are given.

*Keywords:* Models of epidemics, systems of ordinary differential equations, Markov processes.